DCCC Variantfortolkningsnetværk – Internat Sandbjerg Gods 3-4. november 2026

Tirsdag 3.november

Kl. 10.30: Ankomst + morgenmad.

Kl. 11.00: Velkomst og introduktion til mødet

Kl. 11.15 – 12.30: Forskellige emner relateret til udvikling og forskning af relevans for netværket (flash-talks) *Session in English*

- **i.** "TMPRSS2:ERG Gene Fusion Might Predict Resistance to PARP Inhibitors in Metastatic Castration-resistant Prostate Cancer" *v. Estrid og Tim, Herlev (10 min)*
- **ii.** "Organoids" *v. Maria Rusan, AUH (10 min)*
- **iii.** "Implementing of long-read" *v. Mads Jørgensen og Marianne Ingerslev Holt, Vejle (10 min)*
- **iv.** "Testing tools for calling copy number variants in tumor samples" *v. Christoffer Halvorsen, MDXCore, RH (10 min)*
- **v.** "Interpretation in VarSeq" *v. Mads Sønderkær, AAUH (10 min)*
- ***vi.*** "Benchmarking homologous recombination deficiency algorithms for prediction of clinical outcome in ovarian cancer" *v. Lasse Mark (10 min)*
- ***vii.*** "Klassificeringsstyrke i OC (PMID: 42335889) med Myriad. Præliminære data for andre HRD-platforme i OC fra et i gangærende projekt i ENIGMA". *v. Mads Thomassen (10 min)*

Kl. 12.30 - 13.30: Frokost

Kl. 13.30 – 14.30: "OncoAct®- data analysis, interpretation and patient report generation at Hartwig Medical Foundation" *by Paul Roepman, Clinical molecular biologist & Clinical account manager, Hartwig Medical Foundation*

Kl. 14.30 – 15.30: Pause med kaffe, fotografering og gå-tur

Kl. 15.30 – 18.00: Break out workshops

- *i)* Variantfortolkning (*tovholdere Kathe Munk & Christine Kassentoft, MOMA, AUH og Helene Myrtue, Patologi, OUH)*
- ii) Bioinformatik *(tovholder Michael Knudsen, MOMA).* ***Session in English****.*
- iii) Klinik *(tovholder Britt Laursen, MOMA/Kræftafdelingen, AUH)*

Kl. 18.00: Middag

Onsdag 4. november

Kl. 8.00 - 9.00: Morgenmad

Kl. 9.00 – 11.00: Tværfaglig workshop; "Strukturelle varianter"

(Tovholdere: Michael, Christine, Sara og Britt, MOMA, Ida, Winta og Martin H, RH)

Kl. 11.00 – 11.30: Pause

Kl. 11.30 – 12.00: Forskellige emner relateret til udvikling og forskning af relevans for netværket – fortsat: "RNA"

- ***i.*** Introduktion *v. Britt Elmedal Laursen (5 min)*
  - a. Oversigt over national status for brug og/eller udvikling af brug af RNA-data
  - b. Klinisk relevans
- **ii.** MDxCore RNA Pipeline *v. Victor Enrique Goitea (20 min)*
- ***iii.*** Fælles pipeline? Fælles RNA datasæt? *v. Britt (5 min)*

Kl. 12.00-13.00: Frokost

Kl. 13.00 – 14.00: Status fra arbejdsgruppe(r)

i) Genlister *v. Marianne Ingerslev, Klinisk Genetisk Afdeling, Sygehus Lillebælt, Vejle*

Kl. 14.00 – 15.00: Klinisk opdatering

i) ASCO og ESMO-highlights og upcoming targets v. Martin Højgaard, RH og Annette Kodahl, OUH (30 min)
ii) ProTarget opdatering v. Tina Kringelbach (10 min)
iii) Opdatering på Variant Databasen v. Inge Søkilde og Charles Vesteghem (10 min)
iv) Opdatering på forskellige relevante nationale fora (DNMTB, DMCG Udvalg for Genomisk Tumor Profilering, NGC, InPred) v. Britt (10 min)

Kl. 15.00-15.30: Opsummering/afrunding og videre plan *v. Britt*

i. Tilbagemelding fra bioinformatik break out (5 min) v. Michael Knudsen
ii. Tilbagemelding fra variantfortolkningsgruppearbejde (5 min) v. Kathe Munk, Christine Kassentoft og Helene Myrtue.
iii. Tilbagemelding fra klinik break out (5 min) v. Britt
iv. Plan for rundsending af varianter inden næste års internat (5 min). v. Kathe Munk, Christine Kassentoft og Helene Myrtue.
v. Behov for mellemliggende arbejdsgrupper?

Mødeudvalg 2026

Ida Kappel Buhl, Linea Cecilie Melchior, Trine Block Mattesen, Marianne Ingerslev, Estrid Høgdall, Maria Bibi Lyng, Michael Knudsen, Christine Kassentoft, Christina Bak, Britt Elmedal Laursen

Kl. 15.30 – 16.30: FU møde i DNMTB (virtuel deltagelse mulig – link følger)